Erratum zu „Karzinogenese: *Big Bang* oder kontinuierliche Evolution?“

KERSTIN HAASE, ROLAND F. SCHWARZ
MAX-DELBRÜCK-CENTRUM FÜR MOLEKULARE MEDIZIN, BERLIN

© Die Autoren 2020
DOI: 10.1007/s12268-021-1505-8

■ Bei der bereits veröffentlichten Originalversion des Artikels ist ein Fehler in der Abbildung 2B entstanden: bei der Kennzeichnung der Herkunft des Chromosom 4 wurde die falsche Patienten-ID angegeben, korrekt ist die ID „CRUK0009“

Anbei finden Sie die korrigierte Version. Wir entschuldigen uns für den Fehler und für

alle dadurch eventuell entstandenen Unannehmlichkeiten.

Die Online-Version des berichtigten Originalartikels finden Sie unter der DOI: 10.1007/s12268-020-1488-x.

Korrespondenzadresse:

Dr. Roland F. Schwarz
Max-Delbrück-Centrum für Molekulare
Medizin (MDC)
Robert-Rössle-Straße 10
D-13125 Berlin
Roland.Schwarz@mdc-berlin.de

▲ **Abb. 2:** Multi-Regions-Referenz-Phasing (MRP) und *mirrored subclonal allelic imbalance* (MSAI). **A**, MRP erlaubt die Zuweisung von SCNAs zu elterlichen Haplotypen in Multi-Regionsstudien. So können Ereignisse unterschieden werden, die in unterschiedlichen Regionen des Tumors auf unterschiedlichen Haplotypen auftreten (MSAI). **B**, MSAI-Ereignis in Lungenkrebs: Eine fokale Amplifikation des PHOX2B/RHOH-Lokus erzeugt > 10 Kopien. Die Amplifikation fand parallel in zwei Regionen des Tumors auf unterschiedlichen Haplotypen (orange und blau) statt. Abbildung aus [10].