medgen 2011 · 23: 337–337
DOI 10.1007/s11825-011-0283-y
© Springer Medizin Verlag 2011

Verantwortlich für den Textteil:
Univ. Doz. Dr. med.
Hans-Christoph Duba, Linz
(Vorsitzender der Österreichischen
Gesellschaft für Humangenetik)

11. Jahrestagung der Österreichischen Gesellschaft für Humangenetik

Freitag, 30.9.2011

Landeskrankenhaus Salzburg
Müllner Hauptstraße 48
Großer Hörsaal der 2. Medizin (gegenüber Parkdeck)

Liebe Kolleginnen und Kollegen,
liebe ÖGH-Mitglieder,

im Namen des Teams der Klinischen Genetik am LKH Salzburg sowie des Vorstandes der ÖGH laden wir Sie herzlich zur 11. Jahrestagung ein.

Themenbereiche:

- I: Klinische Genetik / angewandte Humangenetik
- II: Neue Methoden in der Klinischen Genetik
- III: Tumorgenetik / Molekularbiologie

Nachsitzung im Augustiner
Bräustübl Mülln gleich nebenan

Wir freuen uns auf viele Anmeldungen (bitte bis 11.9.2011) und auf ein interessantes Programm (Abstracts für Ihre Beiträge bitte bis 01.7.2011).

Mit freundlichen Grüßen
aus Salzburg

Univ. Doz. Dr. Olaf Rittinger
Leiter Klinische Genetik

Dr. Ingrid Vlasak
Molekulargenetische Diagnostik

Anmeldung für Kurzvortrag (inkl. Abstract) bitte bis spätestens 1.7.2011 per Mail an O.Rittinger@salk.at. Die Berücksichtigung erfolgt nach Einlangen der Vorträge.

Tagungsanmeldung (Formulare können abgerufen werden unter: <http://www.oegh.at>) bitte bis spätestens 11.9.2011 per Fax, E-Mail oder Post zu senden an:

Doz. Dr. O. Rittinger
UK für Kinder- und Jugendheilkunde
Klinische Genetik
Müllner Hauptstraße 48
5020 Salzburg
Fax: +43 662 4482-2621
E-Mail: G.Kronberger@salk.at

Vorprogramm der 11. Jahrestagung der ÖGH

ab 08:00:	Empfang, Registrierung
08:30 – 08:40:	Begrüßung
08:40 – 10:00:	Angewandte Humangenetik / Klinische Genetik
	Hauptvortrag 1 Marfan Syndrom – neue Diagnosekriterien, DD, kardiale Nachsorge, Therapie Daniela Baumgartner, Innsbruck Weitere Beiträge (Kasuistiken) aus eigenen Einrichtungen willkommen (je 8+2)
10:00 – 10:30:	Kaffeepause
10:30 – 12:30:	Neue Methoden in der Klinischen Genetik
	Hauptvortrag 2 Klinisch-genetische Diagnose mittels Phenomizer: Erfahrungen mit dem Berliner Modell der Human Phenotype Ontology Sebastian Köhler, Berlin Array Painting – eine neue Methode zur exakten Bruchpunktbestimmung bei balancierten Translokationen (Peter Kroisel, Graz) Diagnosestellung über das Exome sequencing: Indikationen (Berthold Streubel, Wien) Weitere Beiträge aus eigenen Einrichtungen willkommen (je 8+2)
12:30 – 13:30:	Mittagspause
13:30 – 14:30:	Mitgliederversammlung ÖGH
14:30 – 15:30:	Tumorgenetik und Molekularbiologie
	Hauptvortrag 3 Mitochondrialer Energiestoffwechsel in soliden Tumoren Barbara Kofler, Salzburg Weitere Beiträge aus eigenen Einrichtungen willkommen (je 8+2)
15:30 – 16:00:	Kaffeepause
16:00 – 17:30:	Spezifische Salzburger Entwicklungen
18:00 – 23:00:	Abendveranstaltung im Bräustübl Mülln